



CNRS • SORBONNE UNIVERSITÉ

Station Biologique
de Roscoff



Tarifs prévisionnels

Incluant inscription et hébergement en pension complète

Doctorants / étudiants	390 €
Participants établissements publics (hors CNRS)	620 €
Participants établissements privés	1800 €

Financements



Canada

Groupe français des peptides et protéines



Unité MCAM
UMR 7245 CNRS/MNHN

Demandes d'inscription : pamomics.sciencesconf.org

Contact : severine.zirah@mnhn.fr



Ecole thématique PAMOMICS

du 30 novembre au 4 décembre 2020

Station Biologique de Roscoff

Méthodes omics pour mieux appréhender la diversité, le rôle et le potentiel thérapeutique et biotechnologique des peptides antimicrobiens

École proposée par le groupe de recherche CNRS 3625
MultiFonction des Peptides AntiMicrobiens



Programme prévisionnel

Lundi 30 novembre 2020

14h00-15h30	Accueil des participants	
15h30-17h00	Présentations flash	
17h00-19h00	Cours Omics pour la recherche sur les peptides antimicrobiens (PAMs)	<i>P. Bulet, S. Zirah</i>

Mardi 1^{er} décembre 2020

Axe 1. Omics pour la découverte de PAMs

09h00-10h30	Cours PAMs des eucaryotes : transcriptoprotéomique	<i>C. Gaudin, E. Corre</i>
10h45-12h15	Cours PAMs des procaryotes : peptidogénomique	<i>Y. Li</i>
14h00-17h15	Atelier PAMs des eucaryotes (en demi-groupes) Atelier PAMs des procaryotes (en demi-groupes)	<i>C. Gaudin, E. Corre</i> <i>Y. Li, S. Zirah</i>
17h00-19h00	Session posters	

Mercredi 2 décembre 2020

Axe 2. Omics et rôle des PAMs : transcriptomique et protéomique

09h00-10h30	Cours Transcriptomique et barcoding	<i>J. Perrier</i>
10h45-12h15	Cours Protéomique	<i>J. Hardouin</i>
14h00-18h00	Atelier Transcriptomique et barcoding (en demi-groupes) Atelier Protéomique (en demi-groupes)	<i>J. Perrier</i> <i>J. Hardouin, S. Zirah</i>
18h00-19h00	Table ronde Axe 1	<i>C. Gaudin, E. Corre, Y. Li, S. Zirah</i>

Jeudi 3 décembre 2020

Axe 2. Omics et rôle des PAMs : métabolomique et approches multi-omics

09h00-10h30	Cours Métabolomique et réseaux moléculaires	<i>S. Zirah</i>
10h45-12h15	Cours Approche multi-omics	<i>S. Déjean</i>
14h00-17h15	Atelier Métabolomique (outil xcms) et réseaux moléculaires (en demi-groupes) Atelier Métabolomique / mixOmics (en demi-groupes)	<i>S. Zirah</i> <i>S. Déjean</i>
17h15-19h00	Visite Roscoff	

Vendredi 4 décembre 2020

10h00-11h00	Table ronde Axe 2	<i>J. Perrier, J. Hardouin, S. Zirah</i>
10h45-12h15	Cours Omics et microbiote	<i>F.P. Martin</i>
14h00	Clôture des journées	

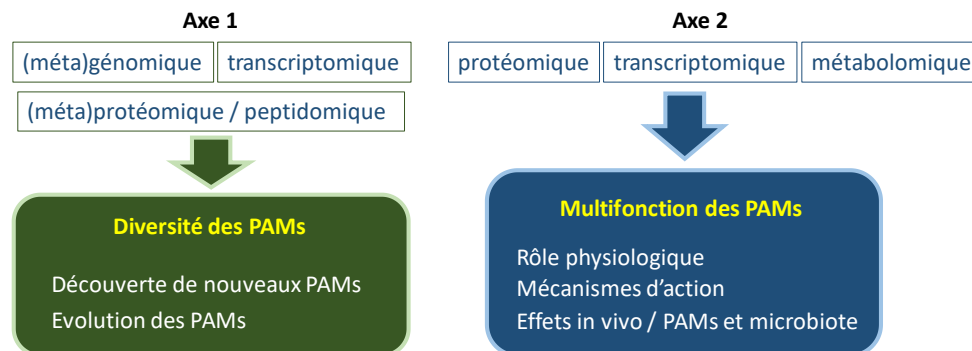
Nombre d'inscription limité à 35 stagiaires,
demande d'inscription à déposer en ligne
avant le 15 septembre 2020



Tout public : Doctorants, post-doctorants, ingénieurs, chercheurs et enseignant-chercheurs.

Non-réservé aux membres du GDR MuFoPAM

Prérequis : Une partie des ateliers sera conduite avec logiciel R. Les débutants suivront une initiation en ligne avant l'école. Les participants sont invités à amener un ordinateur portable (quelques ordinateurs de prêt sont prévus si besoin).



Comité pédagogique

Y. Li, S. Zirah	Muséum national d'Histoire naturelle, Paris
P. Bulet	Institut pour l'Avancée des Biosciences, Archamps
E. Corre	Station Biologique de Roscoff
S. Déjean	Institut de Mathématiques de Toulouse
J. Hardouin	Université de Rouen Normandie
F.P. Martin	Nestlé, Lausanne, Suisse
J. Perrier	Institut des Sciences Moléculaires de Marseille
C. Zatylny-Gaudin	Université de Caen Normandie